

Abs. _____

Ort, Datum

Landwirtschaftskammer Niedersachsen
FB Tierzucht, Tierhaltung
Mars-la-Tour-Str. 6
26121 Oldenburg

Anerkennung meines Herdbuch-Schafbestandes als TSE-resistenter Betrieb
gem. § 6 der TSE-Resistenzzuchtverordnung vom 17. Oktober 2005

Sehr geehrte Damen und Herren,

ich beantrage die Anerkennung als TSE-resistenter Bestand der Stufe I gem. § 6 der TSE-Resistenzzuchtverordnung.

Sie erhalten anliegend eine Übersicht über den kompletten Herdbuchbestand mit den Ergebnissen der Scrapie - Genotypisierung (SGT). Daraus geht hervor, dass alle Zuchttiere meines Bestandes dem Typ ARR/ARR angehören. Alle Zuchtschafe meines Bestandes sind mit Ohrmarken gem. Viehverkehrs-Verordnung eindeutig gekennzeichnet. Die Genotypisierungen wurden an Instituten durchgeführt, welche erfolgreich an einem Ringtest teilgenommen haben (gem. Anhang I der Leitlinien zur Durchführung der Genotypisierung für Scrapie-Resistenzgene bei in Deutschland gehaltenen Schafrassen des BMELV vom 7. Januar 2003).

Die Ergebnisse der Genotypisierungen liegen auch dem Herdbuchführer des Landes-Schafzuchtverbandes vor und können bei Bedarf eingesehen werden.

Ich bitte Sie, den Bestand als TSE-resistenten Bestand der Stufe I anzuerkennen und dem Landes-Schafzuchtverband Weser-Ems e. V. eine Durchschrift des Anerkennungsschreibens zukommen zu lassen.

Ich bin damit einverstanden, dass der Name und die Anschrift meines Schafzuchtbetriebes vom BMEL auf dessen Internet-Seite und im elektronischen Bundesanzeiger sowie vom Friedrich-Löffler-Institut auf dessen Internet-Seite veröffentlicht werden dürfen (Erhebung, Führung und Pflege meiner o.g. personenbezogenen Daten). Die Veröffentlichung erleichtert meinem Betrieb das Inverkehrbringen von Zuchttieren und Zuchtschafe für den innergemeinschaftlichen Handel müssen nicht mehr genotypisiert werden.

Außerdem erteile ich dem Landesschafzuchtverband Niedersachsen e.V. die Vollmacht, für mich die Meldepflichten gem. § 8 der Verordnung vom 19. Oktober 2005 zu übernehmen.

Mit freundlichen Grüßen

Anlage

Bestandsliste mit Genotypisierungsergebnissen